

日本国特許庁

11.09.98

PATENT OFFICE  
JAPANESE GOVERNMENT

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日  
Date of Application:

1997年 8月 4日

REC'D 30 OCT 1998

WIPO

PCT

出願番号  
Application Number:

平成 9年特許願第209522号

出願人  
Applicant (s):

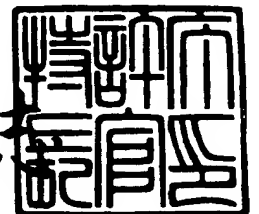
東燃株式会社

PRIORITY DOCUMENT

1998年10月16日

特許庁長官  
Commissioner,  
Patent Office

伴佐山 建



出証番号 出証特平10-3082170

【書類名】 特許願

【整理番号】 973827

【提出日】 平成 9年 8月 4日

【あて先】 特許庁長官 荒井 寿光 殿

【国際特許分類】 G01N 33/576

【発明の名称】 H C V の検出又は測定方法

【請求項の数】 8

【発明者】

    【住所又は居所】 埼玉県入間郡大井町西鶴ヶ岡 1 丁目 3 番 1 号 東燃株式会社 総合研究所内

    【氏名】 青柳 克己

【発明者】

    【住所又は居所】 埼玉県入間郡大井町西鶴ヶ岡 1 丁目 3 番 1 号 東燃株式会社 総合研究所内

    【氏名】 大植 千春

【発明者】

    【住所又は居所】 埼玉県入間郡大井町西鶴ヶ岡 1 丁目 3 番 1 号 東燃株式会社 総合研究所内

    【氏名】 木村 達治

【発明者】

    【住所又は居所】 埼玉県入間郡大井町西鶴ヶ岡 1 丁目 3 番 1 号 東燃株式会社 総合研究所内

    【氏名】 飯田 久美子

【発明者】

    【住所又は居所】 埼玉県入間郡大井町西鶴ヶ岡 1 丁目 3 番 1 号 東燃株式会社 総合研究所内

    【氏名】 八木 慎太郎

【特許出願人】

    【識別番号】 390022998

【氏名又は名称】 東燃株式会社

【代理人】

【識別番号】 100077517

【弁理士】

【氏名又は名称】 石田 敬

【電話番号】 03-5470-1900

【選任した代理人】

【識別番号】 100087871

【弁理士】

【氏名又は名称】 福本 積

【選任した代理人】

【識別番号】 100088269

【弁理士】

【氏名又は名称】 戸田 利雄

【選任した代理人】

【識別番号】 100082898

【弁理士】

【氏名又は名称】 西山 雅也

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 036135

【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 明細書 1

【物件名】 図面 1

【物件名】 要約書 1

【ブルーフの要否】 要

【書類名】 明細書

【発明の名称】 HCVの検出又は測定方法

【特許請求の範囲】

【請求項1】 HCV含む検体を、（１）陰イオン性界面活性剤及び、（２）両イオン性界面活性剤、非イオン性界面活性剤又は蛋白質変性剤のいずれかを含有処理液で処理することを特徴とするHCV含有検体の処理方法。

【請求項2】 HCV含む検体を、（１）陰イオン性界面活性剤、（２）両イオン性界面活性剤、及び（３）非イオン性界面活性剤又は蛋白質変性剤のいずれかを含んだ処理液で処理することを特徴とするHCV含有検体の処理方法。

【請求項3】 HCVを含む検体を、（１）陰イオン性界面活性剤、（２）両イオン性界面活性剤、（３）非イオン性界面活性剤、及び（４）蛋白質変性剤を含んだ処理液で処理することを特徴とするHCV含有検体の処理方法。

【請求項4】 請求項1～3のいずれか1項に記載の検体処理方法を用いて、HCVコア抗原を特異的に認識するプローブを反応させることにより、HCVコア抗原の存在を検出又は定量することを特徴とするHCVの測定方法。

【請求項5】 HC11-14（FERM BP-6006）、HC11-10（FERM BP-6004）、HC11-3（FERM BP-6002）、及びHC11-7（FERM BP-6003）から成る群から選択されるハイブリドーマ細胞株。

【請求項6】 HC11-14（FERM BP-6006）、HC11-10（FERM BP-6004）、HC11-3（FERM BP-6002）、HC11-7（FERM BP-6003）から成る群から選択されるハイブリドーマによって産生されるモノクローナル抗体。

【請求項7】 請求項4に記載の免疫測定方法に用いるための、陰イオン性界面活性剤を含んで成る、検体中のHCVの有無を判別するキット、定量するキット又は診断薬。

【請求項8】 請求項4に記載の免疫測定方法に用いるための、請求項6に記載のモノクローナル抗体を含んでなる、検体中のHCVの有無を判別するキット、定量するキット又は診断薬。

【発明の詳細な説明】

【0001】

【発明の属する技術分野】

本発明はHCVの検出又は測定方法及びそのための試薬に関する。

【0002】

【従来の技術】

C型肝炎は、長い間その原因因子が明らかではなかったが、その遺伝子がクローニングされ（Science 244:359-362, 1989）、その遺伝子を基に作られたリコンビナント抗原を用いた抗体測定による診断法が開発されたことにより（Science 244:362-364, 1989）；特表平2-500880号公報）、HCV（C型肝炎ウイルス、Hepatitis C Virus）を原因因子とする、血液及び血液関連製剤を主たる感染経路とする感染症であることが明らかとなった。組換えコア抗原、組換えNS3抗原を加えたいわゆる第2世代抗体検査法の開発により、HCV感染者のほとんどを血清検査により判別する事が可能となった。このことにより国内献血による感染をほとんど絶つことが可能となった。

【0003】

しかしHIV（ヒト免疫不全症ウイルス）などの一般的なウイルス感染症同様に、感染初期の抗体が生じて来るまでの期間、いわゆるウィンドピリオドと呼ばれる判別不能期間が存在し、売血が認められている地域などや国内の一部でも抗体検査では判別できなかった血液由来の成分により、依然として二次感染が起こるリスクが存在している。また抗体検査は、その原理から感染後治癒した既往者か、活動性の感染者か否かを判別することが出来ないことが問題である。

【0004】

また現在C型肝炎の治療にはインターフェロン（IFN）が用いられているが、IFNによりHCVが駆除されて6ヶ月後にはHCV抗体価が低下することからHCV抗体価を測定することのみにて治療効果を判別することが可能であるとする研究者もいる。しかし抗体価の動きは抗原刺激低下後、すなわち抗原駆除後数カ月間で降でないと低下しないことから、抗体検査を行なうのみではIFN投

与によりHCVが駆除されたか否かを適時に的確に判別することが出来ない。すなわち治療のモニタリングを行なうためには、HCVに対する抗体ではなく、HCVそのものを検出する方法が必要である。

【0005】

HCVは他のウイルスたとえばHBV（B型肝炎ウイルス）などに比して血中ウイルス量が低い事、および生体外（*in vitro*）で、または動物などを宿主としてウイルスを増殖させることが出来ないため、ウイルス粒子（ウイルス抗原）を直接検出する方法を確立することが困難であった。そのためウイルス抗原を検出する代わりにPCR（ポリメラーゼチェーンリアクション）法（*Science* 230:1350-1354, 1985）や分岐鎖DNAプローブ法により、ウイルスゲノムRNAを検出する方法が開発された。しかしウイルスゲノムを検出する方法は、ウイルス抗原を検出する方法と比較していくつかの問題点がある。

【0006】

まず検出する物質がRNAであるため保存安定性が低いため、血清の凍結融解操作により定量値が低下するなどの問題が指摘されている。そのため従来の血清検査法よりも検体の保存に留意する必要が生じる。また検体の輸送の際にも細心の注意をはらう必要が有る。

【0007】

例えばPCR法を用いた検査法は、遺伝子断片を検出するには最も高感度な検出方法であるが、検体中からHCVゲノムRNAを抽出する際、またゲノムRNAから鋳型DNAへの逆転写の際にロスを生じやすく安定した定量値を得るためには熟練を要すること、また増幅を行うことが重要な原理であるために、コンタミネーションを起こした際、高頻度に偽陽性を生ずるなどの問題があり、一度に大量の検体を処理することができない。また簡便とされる方法を用いても前処理時間が2時間以上も必要であり、多数回の遠心操作を含むなど煩雑である。加えて、このように操作が繁雑であるために、コンタミネーションの機会が増え、偽陽性検体の生じる可能性を増加させている。一方分岐鎖DNAプローブ法は検出感度が低く、結果が得られるまで約20時間を要し（医学と薬学 31:961

-970, 1994)、感度、操作時間という点で課題が残されている。

【0008】

上記のウイルスゲノムを検出する方法の問題点を解決するために、ウイルス抗原を直接検出する方法も開発された。特開平8-29427に示されているように、HCVのコア抗原に対して特異性を有するモノクローナル抗体を用いて、血清中のコア抗原を検出する方法が開発された。本報は田中等(Journal of Hepatology 23:742-745, 1995)および河合等(医学と薬学 36:1065-1070, 1996)に報告されているように血清中に存在するコア抗原を検出することにより、上記のウイルスゲノムを検出する方法同様に臨床的有用性を持つことが示されている。しかしながらウイルスゲノム検出法と同様にいくつかの点で大きな課題が残されている。

【0009】

一点はPCR法と比較して感度が低いため、血清スクリーニングの最終検査に用いることが出来ないことである。田中等は(Journal of Hepatology 23:742-745, 1995), HCV RNA量として、 $10^4 \sim 10^5$  コピー/ml間が検出限界であることを示しており、河合等は、(医学と薬学 36:1065-1070, 1996)、最も感度が高い検出方法であるCRT(コンペティティブリバーストランスクリプション)-PCR法でRNA陽性に分類されるC型慢性肝炎患者102例の治療前血清において、67%の陽性率であることを報告している。すなわち、感度の高いCRT-PCR法と比較した場合に感度の面で大きく劣っている。

【0010】

さらに測定のための検体処理の工程が繁雑であり、かつ時間がかかることがスクリーニングなどの用途に用いようとした際に問題となる。すなわち検体(血清)の処理のために、ウイルス粒子の濃縮と血清成分の除去のためのポリエチレングリコール(PEG)処理(4℃1時間)、遠心操作(15分間)、上清の除去、尿素処理、アルカリ処理(37℃30分間)、中和剤添加といった多段階処理工程を必要とする。また強固に形成され、PEGにより粘性を増した沈殿の尿素処理による分散工程は、非常に熟練を要する作業である。そのため、再現性を得

るためには熟練度が必要であり、また最低約2時間の処理時間が必要である。さらに遠心操作、上清除去等の工程があるために、自動化が困難で、かつ同時大量処理を困難にしており操作面においてもスクリーニングなどの大量処理を必要とする用途に適していない。

#### 【0011】

一方ウイルス抗原検出系は、以下の点で高感度PCR法と比較して優れている点がある。すなわち検出過程で過度の増幅処理操作が加わらないため、コンタミネーションに対し、非常に寛容である。またRNAのように不安定な物質を検出するのではなく、比較的安定な物質である抗原蛋白質を検出することから、検体の保存に過度の注意をはらう必要がなく、PCR検体に求められる超低温槽のような特別な機器を用いる必要もなく、また検体の輸送も容易になる。

#### 【0012】

これらの特長は、例えば血液事業や健康診断の様に、多数の検体を測定する用途に適した要件である。しかしながら、既に指摘したように、開示されているコア抗原検出法は、前処理が煩雑で自動化に適していない、感度が低く例えば血液事業などの感度が求められる様な用途におけるゴールドスタンダードになり得ないなどの理由により、多数の検体を扱ういわゆるスクリーニング用途に用いることが出来ず、PCR法に対して優れている点を活かすことが出来ていない。また、臨床的に有用性が高い測定方法は、常に感度、特異性、再現性、操作性、低コストを課題とし、これらを全て満たすように鋭意開発していく必要性がある。

#### 【0013】

##### 【発明が解決しようとする課題】

本発明の目的は、血液事業や健康診断のような、いわゆるスクリーニング用途の如き多数の検体を処理するのに適したHCV抗原検出法を提供することである。すなわちPCR法と比較し同等の感度、特異度を持ち、前処理を簡便化することにより、容易に自動化などの大量処理システムに適用可能なHCV抗原検出系を提供することである。

#### 【0014】

##### 【課題を解決するための手段】



HCVは血中濃度が $10^2$  コピー/ml $\sim 10^6$  コピー/mlと、HBV ( $10^9$  コピー/ml)と比較し低いことから、ウイルス抗原を検出するためには極めて高い感度を必要とする。

一般に抗体をプローブとする免疫学的な手法に代表される検出方法に於て、検出感度を増加させる方法としては、I) 検出する抗原分子の分子数を上昇させる、II) 抗原に結合するプローブ、例えば抗体の分子数を上昇させる、III) 検出感度の下限を規定するプローブ、例えば抗体と抗原以外の物質との結合などに起因する非特異反応を減少させる、IV) 検出に用いる標識物の検出感度を増加させる方法が考えられ、これらの方法を組み合わせることにより感度を上昇させることが可能となる。

#### 【0015】

抗原分子数を増加させる方法としては、I-1) 検体の量を増加させる事が最も容易に考えられることであるが、一般的に用いられている反応系(例えば96 well イムノプレート)では最大添加可能な容量は $300\mu\text{l}$ 程度であり自ずと上限が規定されるので、I-2) 濃縮により反応系に加える分子数を増加させる方法が用いられる。

#### 【0016】

抗原に結合する検出のためのプローブ、例えば抗体の分子数を上昇させるためには、II-1) 複数のプローブ、例えば抗体を用いることにより認識エピトープの数を増加させる、II-2) プローブ、例えば抗体と抗原との親和性(アフィニティー及びアビディティー)を上昇させることにより、単位時間あたりに結合する抗体の数を増加させる事が容易に考えつく手法である。ここで抗原とプローブ、例えば抗体の親和性を向上させる方法としては、反応系の緩衝液の組成を変化させる方法、プローブを改変する方法、これらの組み合わせが考えられる。II-3) ビーズや磁性粒子などの表面積の広い担体に多量に抗体を結合させることによって、限られた量の抗原との反応面積を広くすることにより、多くの抗原を捕獲することも考えられる。

#### 【0017】

また感染症の場合は検体中に抗原と結合する高い親和性を示すヒト抗体が存在

することが予想され、これらの抗体のエピトープが検出に用いるプローブ、例えば抗体のエピトープと重なることにより競合反応が起こり検出に用いる抗体数の減少につながることを予想されるため、この検体中の反応を阻害する抗体を除く事により抗原に結合する検出のための抗体の分子数を増加させる事につながる（II-3）。

非特異反応を減少させる方法を一般化することは困難であるが、III-1）緩衝液組成を変化させることによりプローブ、例えば抗体の抗原との親和性（アフィニティー及びアビディティー）を上昇させることにより非特異反応を軽減させる、III-2）非特異反応の原因物質を除去するなどの方策が考えられる。

【0018】

標識物の検出感度を上昇させる方法としては、IV-1）検出感度の高い標識物（放射性同位元素など）を用いる、IV-2）酵素や触媒を標識物に用いることにより信号を増幅させる、IV-3）酵素基質をより感度の高い基質に改変する、IV-4）酵素反応、化学反応の基質のシグナルを化学的、または電氣的、機械的に増幅させる、IV-5）抗体当たりの標識物の数を増加させる、IV-6）シグナルの検出に用いる機器の感度を上昇させるなどの方法が考えられる。

【0019】

開示されているHCVコア抗原検出法の前処理法の工程を解析すると、検体にポリエチレングリコールを加えた後に遠心操作によりHCVを沈殿として回収することにより抗原を濃縮する（I-2）ことと同時に血清成分の一部を除去する（II-2）工程を行った後、尿素とアルカリ剤を含む溶液に再懸濁することにより検体中に存在するヒト抗体を不活化し（II-3）HCVからコア抗原を遊離させる工程、非イオン性界面活性剤（Triton-X100）と中和剤を含む溶液を加えることによりモノクローナル抗体と反応させる溶液にする工程から成り立っている。

【0020】

既に上記に指摘したように遠心操作、沈殿の再懸濁操作が操作上煩雑な過程であり、熟練度を必要とする過程である。従って本発明の達成目標は、これらの操作上の問題点を解決したコア抗原検出系である。

HCVそれ自体はいまだその姿が明らかとなっていないが、そのゲノム構造、類縁のウイルス粒子の構造、一般的なウイルスに関する情報から、HCV粒子はゲノムRNAがコア抗原によりパッキングされ、それを取り囲むように脂質膜にアンカリングしているE1、E2/NS1抗原からなる外被蛋白質によって囲まれた状態で存在するものと推定される。

#### 【0021】

そのためコア抗原を検出するためには外被を取り除き、コア抗原の検出に用いるプローブ、例えば抗体が結合できるようにする必要がある。またウイルス粒子は血中ではLDL（低密度リポ蛋白質）などに囲まれた複合構造を取っていることが報告されており、さらに外被蛋白質に対する抗体も存在することから、ウイルス粒子と抗外被蛋白質抗体との免疫複合体としても存在することが予想される。すなわち検出する抗原の分子数を増加させるためには、ウイルス粒子から効率よく外被やウイルス粒子を取り囲む夾雑物を取り除き、かつコア抗原分子を効率よく遊離させることが重要である。

#### 【0022】

従って、本発明が提供する要件の一つは、検体（血清）中のHCVコア抗原を、遠心分離のような煩雑な操作によって濃縮することなく、プローブを用いた検出に適した状態にさせる処理方法にある。

さらに上記のように検体中には検出に用いるプローブ、例えば抗体と結合を競合するヒト抗体が高力価で存在するため、これを取り除く操作が、感度上昇のために重要である。従って本発明の重要な要件の一つは、検体中のHCVコア抗原を簡易に遊離させる処理方法によって、検体中に存在するヒト抗体をも同時に不活化させる処理方法にある。

#### 【0023】

本発明によって示される処理方法を用いることにより、検体中に存在するHCVコア抗原は、プローブ、例えば抗体との免疫複合体を形成するのに適した状態でウイルス粒子または免疫複合体から遊離し、同時に検出反応を阻害する検体中に存在するヒト抗体をも同時に不活化させることにより、例えば抗体のようなプローブを用いた免疫測定法によって容易にかつ感度高く検出することが可能とな

る。

【0024】

検出に用いるプローブ、例えば抗体はHCVのコア抗原に特異的に結合するもので有り、一定の高い親和性を示し、反応系に加えた際に非特異反応などを誘発しないようなものであればかまわないが、実施例4に示す様に、一次反応に用いるプローブの一つはHCVコア抗原のC端側を認識し結合できるものが含まれていることが好ましい。ここでコア抗原のC端側とは、配列番号2に示す配列の81番目から160番目の配列、もしくはその一部をいう。さらにここにコア抗原のN端側に対するプローブが含まれていても良い。ここでコア抗原のN端側とは、配列番号2に示す配列10番目から70番目の配列、もしくはその一部をいう。

【0025】

ここでプローブとは、マウス、ウサギ、ニワトリ、ヤギ、ヒツジ、ウシなどの実験動物を免疫して得られるポリクローナル抗体、免疫した個体から、脾臓細胞を分離し、ミエローマ細胞と融合させることによって得られるハイブリドーマの産生するモノクローナル抗体、または脾臓細胞、血中白血球をEBウイルスによって不死化させた細胞の産生するモノクローナル抗体、HCVに感染しているヒト、チンパンジーなどが産生しているモノクローナル抗体、マウス、ヒトなどのイムノグロブリンのcDNA、染色体DNAから得られる可変領域遺伝子断片、またはイムノグロブリンのcDNA、染色体DNAの一部と人工的に作製した配列とを組み合わせることによって構成される可変領域遺伝子断片、人工的な遺伝子配列を用いて構成される可変領域遺伝子断片、またはこれらを材料に遺伝子組換え手法によって作製される可変領域遺伝子断片を、イムノグロブリン定常領域遺伝子断片を組み合わせることによって構成される組換え抗体遺伝子によって形質転換された細胞が産生する組換え抗体、上記の可変領域遺伝子断片と例えばバクテリオファージの構造蛋白質と融合させて作られるファージ抗体、上記の可変領域遺伝子断片を他の適用な遺伝子断片例えばmyc遺伝子の一部などと組み合わせることにより構成される組換え抗体遺伝子によって形質転換された細胞が産生する組換え抗体、トリプシン分子に可変領域を人工的に導入することによって

産生されるプローブ、レセプターなどの蛋白質に特異的に結合する分子を人工的に改変することによって得られるプローブ、その他コンビナトリアルケミストリー技術によって作製されたプローブなど、コア抗原に高い特異性、親和性を示す分子であればそれを用いることが出来る。

## 【0026】

さらに本発明はHCVコア抗原を含む検体から、上記のHCVコア抗原とプローブ、例えば抗体との免疫複合体を形成するのに適した状態にするため、ウイルス粒子または免疫複合体から遊離し、同時に検出反応を阻害する検体中に存在するヒト抗体をも同時に不活化させる処理剤によって検体进行处理する工程、遊離したコア抗原を例えば抗体のようなプローブを用いた免疫測定法によって検出並びに定量するアッセイ方法、並びに検査キットを提供する。

## 【0027】

## 【発明の実施の形態】

本発明によって示される検体処理剤と処理方法

本発明における検体には、全血、血漿、血清、尿、唾液、脳脊髄液などの生物学的体液、および肝組織などが含まれる。

本発明においては、検体を煩雑な操作なく、プローブ例えばモノクローナル抗体と結合反応させるのに適した状態に検体中のコア抗原进行处理する方法が最も重要な要件である。すなわち、抗原分子数を増加させるために、ウイルス粒子中などに含まれるコア抗原を効率よく遊離させることが重要になる。

## 【0028】

既にSDS（ドデシル硫酸ナトリウム）ポリアクリルアミド電気泳動法（SDS-PAGE）によっても知られているように、ほとんどの蛋白質はSDS存在下の熱処理により変性し、共有結合によって結合している分子以外はモノマーになる。すなわち、測定検体にSDS等の陰イオン性界面活性剤を含む処理剤を添加すると、ウイルスを破壊すると同時に検体中の抗コア抗体をも変性させ、検体中のコア抗原を遊離させることが可能である。このことは、実施例7に示す様に、SDSを含む処理剤で処理した検体中のコア抗原を、ゲル濾過を用いた分子量解析にかけると、理論上から予想される単量体の位置に検出されることから確

認された。

【0029】

また柏熊等 (J. Immunological Methods 190 79-89, 1996) によって報告されているように、組換えHCV発現細胞抽出液からなる検体を、SDS-PAGEにより分離し、ウェスタンブロット法によりコア抗原を検出すると、単量体と思われる分子量の位置にその免疫活性が検出される。SDSを含む変性剤を検体に加えることにより、抗原を効率よく遊離させ抗原分子数を増加させることができることはこの分野に属するものであれば容易に考え得る。

【0030】

しかしながらよく知られているようにSDS等の陰イオン性界面活性剤は蛋白質変性作用が大きいため、その存在下でそのままプローブ、例えば抗体との免疫複合体形成反応に加えると、抗体をも変性させ、その機能を失わせ感度低下を導く。また、SDS等の陰イオン性界面活性剤処理によってエピトープ構造が失われることが知られており、その結果として抗体の結合が弱められ、感度が低下する。これらの感度低下につながる影響を除くため、SDS処理後何らかの方法で変性作用を弱める必要が有る。

【0031】

陰イオン界面活性剤を含む界面活性剤は、例えば透析、限外濾過、ゲル濾過法、電気泳動法、イオン交換法、沈殿法、膜転写法などにより除くことができることが知られており、上記のようにウェスタンブロット法、ゲル濾過法により抗原が検出可能であることは、SDS処理後、なんらかの操作を加えることにより抗原抗体反応を行なわせることが可能であることを示している。しかしながら、これらの処理を行なうことは、何れも時間と煩雑な操作を必要とするため本発明の目的に適した方法ではない。

【0032】

また過剰量の反応液によって希釈することにより、変性作用を示さない濃度まで低下させることにより反応に影響を与えない様に出来るが、この方法では反応液が増加し、例えばマイクロタイターウェルを用いる測定方法などの加えるサン

プル量に制約が有る免疫測定法に適用できないため、本発明の目的に適していないことは明らかである。

そこで本発明者は、陰イオン性界面活性剤を含む処理剤を添加し、さらに何らかの添加剤を加えることにより、陰イオン性界面活性剤による変性効果を、抗体などのプローブに影響を与えないように弱めることが出来ないか、また同時に陰イオン性界面活性剤によるコア抗原遊離作用を増強することができないかを検討した。

#### 【0033】

ここで本発明者は、SDS等の陰イオン性界面活性剤以外の界面活性剤を含む処理剤を添加することにより、SDSの固相化抗体に対する変性作用を弱め、その結果SDSを含む処理剤のみと比較して、感度を上昇させることが出来ることを見いだした。また、SDS等の陰イオン性界面活性剤を含む処理剤に、それ以外の界面活性剤や尿素などの水素イオン結合を弱める薬剤を同時に加えた処理剤とした場合にも、同様の効果を認めるとともに、ウイルス粒子からのコア抗原遊離および検体中抗コア抗原抗体の不活化を強くすることによって、コア抗原の遊離がさらに増強されることを見いだした。さらにSDSとその他の界面活性剤を含む処理剤を添加した後熱処理工程を行なうことにより、より高感度にコア抗原を検出できることを見だし、本発明を完成させるに至った。

#### 【0034】

ここで、検体の処理に用いる陰イオン性界面活性剤はSDS以外でも、セチル硫酸ナトリウムや他のアルキル化硫酸エステル、ドデシルスルホン酸ナトリウムのようなアルキル化スルホン酸塩、アルキルアリルスルホン酸塩などでも可能であり、陰イオン性界面活性剤以外に加える界面活性剤としては、CHAPS（3-〔3-コラミドプロピル〕ジメチルアンモニオ〕-1-プロパンスルホン酸）、CHAPSO（3-〔コラミドプロピル〕ジメチルアンモニオ〕-2-ヒドロキシ-1-プロパンスルホン酸）、ドデシル-N-ベタインなどの両イオン性界面活性剤やTriton X100などのポリオキシエチレンイソオクチルフェニルエーテル類、NP40などのポリオキシエチレンノニルフェニルエーテル類、Tween 80などのポリオキシエチレンソルビトールエステル類、Brij 5

8のようなポリオキシエチレンドデシルエーテル類、オクチルグルコシドといった非イオン性界面活性剤が適当で有り、好ましくはCHAPSなどの両イオン性界面活性剤とTriton-X100などの非イオン性界面活性剤を含む。また、ここに尿素、チオ尿素などの蛋白質の高次構造を壊す様な作用を示す薬剤（蛋白質変性剤）を加えることも効果的である。

#### 【0035】

処理の際の濃度は、SDSは0.5%以上、CHAPSは、0.1%以上、尿素は1M以上、TritonX100は0.1%以上0.75%以下で使用する事がより好ましい。

以上のような検体の処理温度は、通常一般実験室で用いられている範囲である4℃以上100℃以下であればよいが、非イオン性界面活性剤添加の場合は、その曇点に注意が必要である。好ましくは、37℃以上であり、さらに血清の非働化に一般的に用いられている50～60℃処理が効果的である。

#### 【0036】

本発明の処理方法を用いることにより、HCVと同様の構造を持つウイルス粒子を含む検体から、ウイルス抗原を、抗体などをプローブとして用いるいわゆる免疫測定方法に適した状態に遊離させることが出来ることは明らかである。ここでHCVと同様の構造を持つウイルスとは、ゲノムRNA、DNAをパッキングする蛋白質と、それを取り囲む膜タンパク質と脂質膜から構成される構造を持つウイルス粒子を形成するウイルスであり、例えばHCVの類縁のウイルスであるフラビウイルス類、ヒト免疫不全ウイルス（HIV）などのレトロウイルスなどが含まれる。さらにゲノムとしてDNAを持つものであっても同様の構造を持つものが含まれる。

#### 【0037】

##### 本発明によって示されるプローブとしてのモノクローナル抗体

本発明でいうHCVの構造蛋白質遺伝子断片とは、HCVの構造蛋白質遺伝子のコア領域を含む遺伝子断片であり、少なくともHCVのN末端の1番目から160番目のアミノ酸配列を含むポリペプチドをコードする塩基配列を有するDNA断片である。具体的には、配列番号2のアミノ酸配列をコードする塩基配列を



含む遺伝子断片である。

【0038】

本発明でいうHCV抗原活性を有するポリペプチドとは、抗HCV抗体と免疫学的に反応する融合ポリペプチドもしくはポリペプチドを意味し、本発明のハイブリドーマならびにそれから得られるモノクローナル抗体の作製に利用するための抗原として用いることができる。具体的には、配列番号1のアミノ酸配列を含むHCV抗原活性を有する融合ポリペプチドもしくは配列番号1のアミノ酸配列の一部を含むHCV抗原活性を有するポリペプチドであり、そのN末端あるいはC末端に余分なアミノ酸配列が付加されたものであってもよい。

【0039】

本発明の上記融合ポリペプチドならびに配列番号3～6に示されるアミノ酸配列を含有するポリペプチドに対するモノクローナル抗体類は、当業者により容易に作製することができる。ハイブリドーマによるモノクローナル抗体の作製は良く知られている。例えば、BALB/cマウスなどの腹腔内あるいは皮内に、上記融合ポリペプチドもしくはポリペプチド（以下、本抗原）を単独もしくはBSA、KLHなどと結合させた抗原として、単純あるいはフロイント完全アジュバント等のアジュバントと混合して定期的に免疫する。血中の抗体価が上昇した時点で、追加免疫として本抗原を尾静脈内に投与し、無菌的に脾臓を摘出した後、適当なマウス骨髓腫細胞株と細胞融合し、ハイブリドーマを得る。本方法は、KöhlerとMilsteinの方法（Nature 256:495-497, 1975）に従って行なうことができる。

【0040】

上記方法により得られたハイブリドーマ細胞株を適当な培養液中で培養し、その後、本抗原に対して特異的な反応を示す抗体を産生するハイブリドーマ細胞株を選択してクローン化する。抗体産生ハイブリドーマのクローニングには限界希釈法のほか軟寒天法（Eur. J. Immunol. 6:511-519, 1976）などを利用することができる。そして、産生されたモノクローナル抗体をプロテインAなどを用いたカラムクロマトグラフィーなどの方法により精製する。

上記のモノクローナル抗体以外にもプローブとして用いる分子は作製することが出来る。例えば組換え抗体についてはHoogenboonの総説などに詳しく記載されている (Trends in Biotechnology, 15: 62-70, 1997)。

#### 【0041】

##### プローブを用いた検出系

本発明に従って調製されたモノクローナル抗体は、HCV構造蛋白質の検出および定量用に、エンザイム-リンクイムノソルベントアッセイ (ELISA)、酵素イムノドットアッセイ、ラジオイムノアッセイ、凝集に基づいたアッセイ、あるいは他のよく知られているイムノアッセイ法で検査試薬として用いることができる。また、検出に標識化抗体が使用される場合は、標識化合物としては例えば蛍光物質、化学発光物質、放射性物質、酵素、染色物質などが使用される。

#### 【0042】

例えば、検体 (血清) 中のHCVコア抗原を検出するためにサンドイッチ反応系を原理とした方法を用いる場合、使用すべき診断キットは、固体支持体 (例えばマイクロタイターウェルの内壁) に被覆された本発明の1種類以上のモノクローナル抗体および標識物質と結合させた1種類以上のモノクローナル抗体またはそのフラグメントを含む。固体支持体に固相化するモノクローナル抗体および標識するモノクローナル抗体の組み合わせは自由であり、高感度の得られる組み合わせを選択できる。

#### 【0043】

使用できる固体支持体としてはポリスチレンやポリカーボネート、ポリプロピレン、ポリビニール製のマイクロタイタープレート、試験管、キャピラリー、ビーズ (ラテックス粒子や赤血球、金属化合物など)、膜 (リポソームなど)、フィルターなどが挙げられる。

#### 【0044】

##### 【発明の効果】

本発明により示される方法により、抗体などをプローブとして検出するいわゆる免疫測定方法に適した状態に、HCVなどのウイルス粒子から簡便にウイルス

抗原を遊離させることが可能となる。また本発明によって示される方法によって HCV などのウイルス粒子を含む検体を処理することにより、抗体などをプローブとして抗原を検出するいわゆる免疫測定方法により、ウイルス抗原を簡便にかつ感度よく検出、及び定量することが可能となる。また本発明によって示される検体処理方法を用いた免疫測定方法を用いた、検体中の HCV などのウイルスの有無を判別するキット、定量するキット及び診断薬を作製することが可能となる。

#### 【0045】

##### 【実施例】

以下の実施例は本発明を例証するものであるが、これによって本発明の範囲を制限するものではない。

##### 実施例 1. HCV 由来ポリペプチドの発現および精製

##### (A) 発現プラスミドの構築

HCV のコア領域に相当する発現プラスミドは以下の方法で構築した。C11-C21 クローンおよび C10-E12 クローン (特開平 6-38765) を pUC119 に組み込んで得られたプラスミド pUC-C11-C21 および pUC-C10-E12 の各 DNA 1  $\mu$ g を制限酵素反応液 20  $\mu$ l [50mM Tris-HCl (pH7.5), 10mM MgCl<sub>2</sub>, 1mM ジチオスレイトール、100mM NaCl, 15 単位の EcoRI および 15 単位の ClaI 酵素] 中、および [10mM Tris-HCl (pH7.5), 10mM MgCl<sub>2</sub>, 1mM ジチオスレイトール、50mM NaCl, 15 単位の ClaI および 15 単位の KpnI 酵素] 中で各々 37°C 1 時間消化し、その後 0.8% アガロースゲル電気泳動を行ない、約 380bp の EcoRI-ClaI 断片および約 920bp の ClaI-KpnI 断片を精製した。

#### 【0046】

この 2 つの DNA 断片と pUC119 を EcoRI および KpnI で消化したベクターに 10 $\times$ リガーゼ用緩衝液 [660mM Tris-HCl (pH7.5), 66mM MgCl<sub>2</sub>, 100mM ジチオスレイトール、1mM ATP] 5  $\mu$ l, T4 リガーゼ 1  $\mu$ l (350 単位/ $\mu$ l) に水を加えて 50  $\mu$ l とし、16°C で

一晚保温し、連結反応を行なった。このプラスミドを用い大腸菌 JM109 を形質転換させ、プラスミド pUC・C21-E12 を得た。

## 【0047】

このプラスミド pUC・C21-E12 DNA 1 ng を 2 つのプライマー (5' -GAATTCATGGGCACGAATCCTAAA-3' (配列番号: 7), 5' -TTAGTCCTCCAGAACCCGGAC-3' (配列番号: 8)) を用い PCR を行なった。PCR は GeneAmp™ (DNA Amplification Reagent Kit, Perkin Elmer Cetus 製) のキットを用い DNA 変性 95℃ 1.5 分、アニーリング 50℃ 2 分、DNA 合成 70℃ 3 分の条件で行ない、得られた DNA 断片を 0.8% アガロースゲル電気泳動により分離し、グラスパウダー法 (Gene Clean) で精製した。

## 【0048】

一方、pUC19 を制限酵素 Sma I で消化し、PCR 法によって得られた DNA 断片を 10×リガーゼ用緩衝液 [660 mM Tris-HCl (pH 7.5), 66 mM MgCl<sub>2</sub>, 100 mM ジチオスレトール, 1 mM ATP] 5 μl, T4 リガーゼ 1 μl (350 単位/μl) に水を加えて 50 μl とし、16℃で一晚保温し、連結反応を行なった。このプラスミドを用い大腸菌 JM109 を形質転換させ、プラスミド pUC19・C21-E12・Sma I を得た。このプラスミド DNA 1 μg を制限酵素反応液 20 μl [150 mM NaCl, 6 mM Tris-HCl (pH 7.5), 6 mM MgCl<sub>2</sub>, 15 単位の EcoRI および 15 単位の BamHI 酵素] 中で 37℃ 1 時間消化反応を行ない、その後 0.8% アガロースゲル電気泳動を行ない、約 490 bp の EcoRI-BamHI 断片を分離し、これをグラスパウダー法で精製した。

## 【0049】

次に発現ベクターである Trp・TrpE (特開平 5-84085) の DNA 1 μg を制限酵素反応液 20 μl [150 mM NaCl, 6 mM Tris-HCl (pH 7.5), 6 mM MgCl<sub>2</sub>, 15 単位の EcoRI および 15 単位の BamHI 酵素] 中で 37℃ で 1 時間消化し、その反応液に水 39 μl を加え、70℃ で 5 分間熱処理した後にバクテリアアルカリ性ホスファターゼ (BAP) 1

$\mu$ l (250単位/ $\mu$ l)を加えて37℃で1時間保温した。

【0050】

この反応液にフェノールを加えてフェノール抽出を行ない、得られた水層をエタノール沈殿し、沈殿物を乾燥した。得られたEcoRI-BamHI処理ベクターDNA 1  $\mu$ gと上述のコア140断片を10×リガーゼ用緩衝液〔660mM Tris-HCl (pH7.5), 66mM MgCl<sub>2</sub>, 100mMジチオスレイトール、1mM ATP〕5  $\mu$ l, T4リガーゼ 1  $\mu$ l (350単位/ $\mu$ l)に水を加えて50  $\mu$ lとし、16℃で一晩保温し、連結反応を行なった。

【0051】

この反応液の10  $\mu$ lを用いて大腸菌HB101株を形質転換した。形質転換に用いる感受性大腸菌株は塩化カルシウム法〔Mandel, M.とHiga, A., J. Mol. Biol., 53, 159-162 (1970)〕により作られる。形質転換大腸菌を25  $\mu$ g/mlのアmpiシリンを含むLBプレート(1%トリプトン、0.5%NaCl, 1.5%寒天)上に塗布し、37℃に一晩保温した。プレート上に生じた菌のコロニーを1白金耳取り、25  $\mu$ g/mlのアmpiシリンを含むLB培地に移し、一晩37℃で培養した。1.5mlの菌培養液を遠心して集菌し、プラスミドDNAのミニプレパレーションをアルカリ法〔Maniatisら、Molecular Cloning: A Laboratory Manual, (1982)〕により行なった。

【0052】

得られたプラスミドDNA 1  $\mu$ gを制限酵素反応液20  $\mu$ l〔150mM NaCl, 6mM Tris-HCl (pH7.5), 6mM MgCl<sub>2</sub>, 15単位のEcoRIおよび15単位のBamHI酵素〕中で37℃、1時間消化し、アガロースゲル電気泳動を行なって、約490bpのEcoRI-BamHI断片が生じるTrp・TrpEコア160発現プラスミドを選別した。

【0053】

(B) クローンコア160でコードされるポリペプチドの発現および精製

発現プラスミドTrp・TrpEコア160をもつ大腸菌HB101株を50  $\mu$ g/mlのアmpiシリンを含む3mlの2YT培地(1.6%トリプトン、1%酵母エキス、0.5%NaCl)に接種し、37℃で9時間培養する。この培養液

1 mlを50  $\mu$ g/mlのアンピシリンを含む100 mlのM9-CA培地(0.6%  $\text{Na}_2\text{HPO}_4$ , 0.5%  $\text{KH}_2\text{PO}_4$ , 0.5%  $\text{NaCl}$ , 0.1%  $\text{NH}_4\text{Cl}$ , 0.1 mM  $\text{CaCl}_2$ , 2 mM  $\text{MgSO}_4$ , 0.5% カザミノ酸, 0.2% グルコース)に植え継ぎ、37°Cで培養した。OD600=0.3の時に終濃度40 mg/lになるようにインドールアクリル酸を加え、さらに16時間培養した。この培養液を遠心分離して菌体を集めた。

【0054】

菌体に20 mlの緩衝液A[50 mM Tris-HCl (pH 8.0), 1 mM EDTA, 30 mM  $\text{NaCl}$ ]を加えて懸濁し、再び遠心分離を行なって発現菌体2.6 gを得た。得られた菌体を緩衝液A 10 ml中に懸濁し、超音波破碎により大腸菌膜を破碎した後に遠心分離を行ない、HCV cDNAでコードされるポリペプチドとTrpEの融合ポリペプチドを含む不溶性画分を得た。その画分に10 mlの6 M尿素を含む緩衝液Aを加えて融合ポリペプチドを可溶化抽出した。可溶化した抽出物をS-Sepharoseを用いたイオン交換カラムクロマトグラフィーにかけて、融合ポリペプチドの精製を行なった。

【0055】

#### 実施例2. ハイブリドーマの作製法

前記方法により調製した融合ポリペプチド(TrpC11)を6 M尿素溶解後、0.15 M  $\text{NaCl}$ を含む10 mMリン酸緩衝液(pH 7.3)に終濃度が0.2~1.0 mg/mlとなるように希釈し、等量のアジュバント(タイターマックス)と混和し、TrpC11懸濁液とした。TrpC11濃度が0.1~0.5 mg/mlとなるように調製した該懸濁液を4~6週令のBALB/c系マウスに腹腔内投与した。2週間ごとに同様の免疫を行いさらに約2週間後、生理食塩水に溶解したTrpC11 10  $\mu$ gを尾静脈内に投与した。

【0056】

最終追加免疫後3日目に、この免疫動物より無菌的に脾臓を摘出し、ハサミで切片としてさらにメッシュを用いて脾臓を個々の細胞にほぐし、RPMI-1640培地で3回洗浄した。対数増殖期のマウス骨髓腫細胞株SP2/O Ag14を前記と同様に洗浄後、該細胞 $2.56 \times 10^7$ 個と脾臓細胞 $1.64 \times 10^8$

個を50ml容の遠心管に入れ混合した。200×g、5分間遠心分離を行ない、上清を除去し、37℃に保温した50%ポリエチレングリコール(PEG)4000(メルク社製)を含むRPMI-1640培地1mlを加え、さらにRPMI-1640培地10mlを加えて細胞融合させた。

## 【0057】

融合細胞は、遠心分離(200×g、5分間)によってPEGを除いた後、96ウェルプレートを用いて、10%ウシ胎児血清ヒポキサンチン、アミノプテリンおよびチミジン(以下、HATと省略)を含むRPMI-1640培地中で約10日間培養してハイブリドーマのみを増殖させた。その後、目的の抗体を産生するクローンをELISA法により検索し、所望の反応特異性を有する本発明のモノクローナル抗体を産生するハイブリドーマを得た。

## 【0058】

得られたハイブリドーマについて、常法の限界希釈法に従い、単クローン化を行ない、得られたハイブリドーマをHC11-14, HC11-10、およびHC11-3、およびHC11-7と命名した。該4種類のハイブリドーマは、工業技術院生工学工業技術研究所に平成9年7月4日付でそれぞれFERM BP-6006, FERM BP-6004, FERM BP-6002及びFERM BP-6003として寄託された。

## 【0059】

実施例3. モノクローナル抗体の作製法

実施例2に記載の方法により得られたハイブリドーマをプリスタン等で処理したマウス腹腔に移植し、腹水中に産生されてくるモノクローナル抗体を取得した。該モノクローナル抗体の精製は、プロテインAを結合させたセファロースカラムによりIgGフラクションを分離した。

## 【0060】

前記5種類のハイブリドーマから産生されたそれぞれのモノクローナル抗体、C11-14, C11-10, C11-7およびC11-3のアイソタイプは、ウサギ抗マウスIg各アイソタイプ抗体(Zymed社製)を用いたイムノアッセイにより、C11-10, C11-7がIgG2a, C11-14, C11-

3がIgG1であることが明らかとなった。得られた4種類のモノクローナル抗体について、HCV・コア領域由来の配列によって合成した20アミノ酸からなる合成ペプチドを用いてエピトープ解析を行なった結果、表1に示す如くコア領域の一部を特異的に認識するモノクローナル抗体であることがわかった。

【0061】

【表1】

表1

抗 体	認識部位
C11-14	<sup>41</sup> Gly- <sup>50</sup> Arg (配列番号4)
C11-10	<sup>21</sup> Asp- <sup>40</sup> Arg (配列番号3)
C11-3	<sup>100</sup> Pro- <sup>120</sup> Gly (配列番号5)
C11-7	<sup>111</sup> Asp- <sup>130</sup> Phe (配列番号6)

【0062】

#### 実施例4. 検体処理条件検討

##### 1) SDS濃度検討

健常人血清およびHCV-RNA陽性血清100 $\mu$ lに、種々の濃度に溶解したSDSと0.6%CHAPSを含んだ処理液を100 $\mu$ l添加した。56℃に設定している保温箱に入れて30分間処理をおこない、その80 $\mu$ lを測定試料とした。以下に記す測定法による結果を、横軸に処理反応時のSDS濃度を取り、図1に示した。

【0063】

##### 2) CHAPS濃度検討

健常人血清およびHCV-RNA陽性血清100 $\mu$ lに、種々の濃度に溶解したCHAPSと5%SDSを含んだ処理液を100 $\mu$ l添加した。56℃に設定している保温箱に入れて30分間処理をおこない、その80 $\mu$ lを測定試料とした。以下に記す測定法による結果を、横軸に処理反応時のCHAPS濃度を取り



、図2に示した。

【0064】

### 3) 尿素濃度検討

健常人血清およびHCV-RNA陽性血清100 $\mu$ lに、種々の濃度に溶解した尿素を含んだ処理液(5%SDS, 0.6%CHAPS)を100 $\mu$ l添加した。56℃に設定している保温箱に入れて30分間処理をおこない、その80 $\mu$ lを測定試料とした。以下に記す測定法による結果を、横軸に処理反応時の尿素濃度を取り、図3に示した。

【0065】

### 4) TritonX100濃度検討

健常人血清およびHCV-RNA陽性血清100 $\mu$ lに、種々の濃度に溶解したTritonX100を含んだ処理液(5%SDS, 0.6%CHAPS, 6M尿素)を100 $\mu$ l添加した。56℃に設定している保温箱に入れて30分間処理をおこない、その80 $\mu$ lを測定試料とした。以下に記す測定法による結果を、横軸に処理反応時のTritonX100濃度を取り、図4に示した。

【0066】

### 5) 反応温度検討

健常人血清およびHCV-RNA陽性血清100 $\mu$ lに、処理液(5%SDS, 0.6%CHAPS, 6M尿素、0.75%TritonX100)を100 $\mu$ l添加した。4℃、室温(23℃)、37℃、45℃、56℃、70℃で30分間処理をおこない、その80 $\mu$ lを測定試料とした。以下に記す測定法を用いて検討した結果を図5に示した。

【0067】

### 測定法

血清処理法の検討で得られた試料は各々以下の測定法を用いて評価した。すなわち、抗HCVコア抗原モノクローナル抗体(抗体C11-3とC11-7の等量混合)を終濃度が計6 $\mu$ g/mlになるように0.1M炭酸緩衝液(pH9.6)で希釈し、96ウエルマイクロプレート(ヌンク社製)1ウエルにつき100 $\mu$ lずつ分注した。4℃で一晩静置後、0.15M NaClを含む10mMリン酸

ナトリウム緩衝液 (pH 7.3) 0.35 ml を用いて2回洗浄し、0.5% カゼイン-Na を含む 10 mM リン酸ナトリウム緩衝液 (pH 7.35) (以下ブロッッキング液)、0.35 ml を添加し、さらに室温で2時間静置した。

【0068】

ブロッッキング液除去後、0.15 M NaCl, 1% BSA, 0.5% カゼイン-Na, 0.05% Tween 20 を含む 100 mM リン酸ナトリウム緩衝液 (pH 7.3) 160  $\mu$ l と各々の血清処理法で得られた測定試料をそれぞれのウェルに加え、室温で2時間反応させ、洗浄液 300  $\mu$ l で5回洗浄し、さらにペルオキシダーゼ (POD) 標識したモノクローナル抗体 (C11-10 と C11-14 の等量混合) 100  $\mu$ l を添加して室温で30分間反応させた。反応後、上記洗浄液 300  $\mu$ l で5回洗浄し、基質 (オルトフェニレンジアミン、以下 OPD) 溶液 100  $\mu$ l を加え室温で30分間反応させた後、2 N 硫酸溶液 100  $\mu$ l を添加し、波長 630 nm の吸光度を対照として波長 492 nm における吸光度 (OD 492) を測定した。

【0069】

図1～4から、各々の処理条件の最適化が行われたが、未処理検体ではコア抗原の検出が困難であったが、このような簡易な処理を行うことによって、劇的にコア抗原の検出が可能となった。特に、処理反応時の SDS 濃度は 0.5% 以上で、CHAPS 濃度は 0.1% 以上で、尿素濃度は 1 M 以上で、Triton X 100 濃度は 0.1～0.75% で使用することで、4℃ から 70℃ の範囲で、良好にコア抗原を検出できることが示された。

【0070】

#### 実施例 5. 構造領域コア抗原の検出および測定法 (1)

血清 100  $\mu$ l に、処理液 (5% SDS, 0.6% CHAPS, 6 M 尿素、0.75% Triton X 100) を 100  $\mu$ l 添加した。56℃ に設定している保温箱に入れて30分間処理をおこない、その 120  $\mu$ l を測定試料とした。

抗 HCV コア抗原モノクローナル抗体 (C11-3 と C11-7 等量混合) を終濃度が計 6  $\mu$ g/ml になるように 0.1 M 炭酸緩衝液 (pH 9.6) で希釈し、96 ウェルマイクロプレート (ヌンク社製) 1 ウェルにつき 100  $\mu$ l ずつ分注

した。4℃で一晩静置後、0.15M NaClを含む10mMリン酸ナトリウム緩衝液（pH7.3）0.35mlを用いて2回洗浄し、ブロッキング液0.35mlを添加し、さらに室温で2時間静置した。

#### 【0071】

ブロッキング液を除去後、反応緩衝液120 $\mu$ lと前述した処理法で得た測定試料をそれぞれのウェルに加え、室温で2時間反応させた。洗浄液300 $\mu$ lで5回洗浄し、さらにペルオキシダーゼ（POD）標識したモノクローナル抗体（C11-10とC11-14：等量混合）100 $\mu$ lを添加して室温で30分間反応させた。洗浄液300 $\mu$ lで5回洗浄し、基質（OPD）溶液100 $\mu$ lを加え室温で45分間反応させた後、2N硫酸溶液100 $\mu$ lを添加し、波長630nmの吸光度を対照として波長492nmにおける吸光度（OD492）を測定した。尚、標準血清として、パネル血清50を1U/mlとして、1%BSAを含む10mMリン酸ナトリウム緩衝液（pH7.3）で段階的に希釈したものについて同様に処理をおこない測定した。

#### 【0072】

図6に、標準血清として使用したパネル血清50の希釈直線を示した。試料中コア抗原が濃度依存的に測定されており、約0.5mU/mlの検出が可能であった。すなわち、本発明の極めて簡易な検体処理法とモノクローナル抗体を組み合わせるにより、HCVコア抗原を検出または定量できることが明らかとなった。

#### 【0073】

##### 実施例6. HCV構造領域コア抗原の検出および定量（2）

アルカリフォスファターゼ標識モノクローナル抗体を用いた方法

固相担体として96ウェル黒マイクロプレート（ヤング社）を、標識抗体としてアルカリフォスファターゼ標識モノクローナル抗体を、基質としてCDPstar（増感剤としてエメラルドII）を使用した。標準血清として使用したパネル血清50の希釈直線を図7に示したが、試料中コア抗原が濃度依存的に測定されており、約0.5mU/mlの検出が可能であった。このアルカリフォスファターゼ標識モノクローナル抗体を用いた測定法を用いても、HCVコア抗原を検出ま

たは定量できることが明らかとなった。

【0074】

実施例7. 血清処理と測定法で認識されている分子形の解析

パネル血清13の0.25mlを各々の血清処理法で処理し、ゲルロカラム (Superdex 200HR, 1×30) で分画し、それらのフラクション中の抗コア免疫活性を測定し、その結果を図8に示した。分子量約20~30kDaの分子を認識していると考えられ、ウイルス中のコア抗原は前述した前処理によって、ウイルス破壊および血清中に存在する抗コア抗体の不活化により、遊離されていることが示された。

【0075】

実施例8. 血清試料中のHCV構造領域コア抗原の測定法

PCR法であるアンプリコアHCVモニターキット(ロッシュ社)を用いて、HCV-RNA量が $10^3 \sim 10^7$  コピー/mlと測定された血清と健常人血清を用い、前述の方法で、血清中のHCVコア抗原の定量を行なった。

また、標準血清として、パネル50血清(1U/mlと設定)を1%BSAを含む10mMリン酸ナトリウム緩衝液(pH7.3)にて段階的に希釈し、同様に処理したものを用い、表2にその測定結果を示した。今回測定した検体のうち、健常人検体は全て検出限界以下であり、PCR法陽性例の全てを検出できた。このときの相関性を図9に示したが、PCR法との相関係数も0.8以上となり高い相関性を示した。

【0076】

【表2】

表2. HCV-RNA量とコア抗原量

SAMPLE #	RNA (Kコピー/ml)	コア抗原 (mU/ml)
健常人血清	1	N. D
	2	N. D
	3	N. D
	4	N. D
	5	N. D
パネル血清	81	1.6
	80	8
	82	8
	33	16
	31	30
	26	87
	39	97
	41	170
	16	400
	50	1000
	45	1300
	13	1600
		2.1

N. D : Not detect

【0077】

【配列表】

(2) 配列番号: 1:

(i) 配列の特性:

(A) 長さ: 177

(B) 型: アミノ酸

(D) トポロジー: 直鎖状

(ii) 配列の種類: ペプチド

Met	Lys	Ala	Ile	Phe	Val	Leu	Lys	Gly	Ser	Leu	Asp	Arg	Asp	Pro	Glu				
																5	10	15	
Phe	Met	Gly	Thr	Asn	Pro	Lys	Pro	Gln	Arg	Lys	Thr	Lys	Arg	Asn	Thr				
																20	25	30	
Asn	Arg	Arg	Pro	Gln	Asp	Val	Lys	Phe	Pro	Gly	Gly	Gly	Gln	Ile	Val				
																35	40	45	
Gly	Gly	Val	Tyr	Leu	Leu	Pro	Arg	Arg	Gly	Pro	Arg	Leu	Gly	Val	Arg				
																50	55	60	
Ala	Thr	Arg	Lys	Thr	Ser	Lys	Arg	Ser	Gln	Pro	Arg	Gly	Gly	Arg	Arg				
																65	70	75	80
Pro	Ile	Pro	Lys	Asp	Arg	Arg	Ser	Thr	Gly	Lys	Ser	Trp	Gly	Lys	Pro				
																85	90	95	
Gly	Tyr	Pro	Trp	Pro	Leu	Tyr	Gly	Asn	Glu	Gly	Leu	Gly	Trp	Ala	Gly				
																100	105	110	
Trp	Leu	Leu	Ser	Pro	Arg	Gly	Ser	Arg	Pro	Ser	Trp	Gly	Pro	Thr	Asp				
																115	120	125	
Pro	Arg	His	Arg	Ser	Arg	Asn	Val	Gly	Lys	Val	Ile	Asp	Thr	Leu	Thr				
																130	135	140	
Cys	Gly	Phe	Ala	Asp	Leu	Met	Gly	Tyr	Ile	Phe	Arg	Val	Gly	Ala	Phe				
																145	150	155	160

Leu Gly Gly Ala Ala Arg Ala Leu Ala His Gly Val Arg Val Leu Glu  
 165 170 175

Asp

【0078】

(2) 配列番号：2：

(i) 配列の特性：

(A) 長さ：160

(B) 型：アミノ酸

(D) トポロジー：直鎖状

(ii) 配列の種類：ペプチド

Met Gly Thr Asn Pro Lys Pro Gln Arg Lys Thr Lys Arg Asn Thr Asn  
 5 10 15

Arg Arg Pro Gln Asp Val Lys Phe Pro Gly Gly Gly Gln Ile Val Gly  
 20 25 30

Gly Val Tyr Leu Leu Pro Arg Arg Gly Pro Arg Leu Gly Val Arg Ala  
 35 40 45

Thr Arg Lys Thr Ser Lys Arg Ser Gln Pro Arg Gly Gly Arg Arg Pro  
 50 55 60

Ile Pro Lys Asp Arg Arg Ser Thr Gly Lys Ser Trp Gly Lys Pro Gly  
 65 70 75 80

Tyr Pro Trp Pro Leu Tyr Gly Asn Glu Gly Leu Gly Trp Ala Gly Trp  
 85 90 95

Leu Leu Ser Pro Arg Gly Ser Arg Pro Ser Trp Gly Pro Thr Asp Pro  
 100 105 110

Arg His Arg Ser Arg Asn Val Gly Lys Val Ile Asp Thr Leu Thr Cys  
 115 120 125

Gly Phe Ala Asp Leu Met Gly Tyr Ile Phe Arg Val Gly Ala Phe Leu  
 130 135 140

Gly Gly Ala Ala Arg Ala Leu Ala His Gly Val Arg Val Leu Glu Asp

145 150 155 160

【0079】

(2) 配列番号 : 3 :

(i) 配列の特性 :

(A) 長さ : 20

(B) 型 : アミノ酸

(D) トポロジー : 直鎖状

(ii) 配列の種類 : ペプチド

Asp Val Lys Phe Pro Gly Gly Gly Gln Ile Val Gly Gly Val Tyr Leu

5 10 15

Leu Pro Arg Arg

20

【0080】

(2) 配列番号 : 4 :

(i) 配列の特性 :

(A) 長さ : 10

(B) 型 : アミノ酸

(D) トポロジー : 直鎖状

(ii) 配列の種類 : ペプチド

Gly Pro Arg Leu Gly Val Arg Ala Thr Arg

5 10

【0081】

(2) 配列番号 : 5 :

(i) 配列の特性 :

(A) 長さ : 21

(B) 型 : アミノ酸

(D) トポロジー : 直鎖状

(ii) 配列の種類 : ペプチド



Pro Arg Gly Ser Arg Pro Ser Trp Gly Pro Thr Asp Pro Arg His Arg

5

10

15

Ser Arg Asn Val Gly

20

【0082】

(2) 配列番号 : 6 :

(i) 配列の特性 :

(A) 長さ : 20

(B) 型 : アミノ酸

(D) トポロジー : 直鎖状

(ii) 配列の種類 : ペプチド

Asp Pro Arg His Arg Ser Arg Asn Bal Gly Lys Val Lle Asp Thr Leu

5

10

15

Thr Cys Gly Phe

20

【図面の簡単な説明】

【図1】

検体処理においてSDS添加濃度による効果を検討した結果を示す図である。健常人血清（normal）およびHCV-RNA陽性パネル血清13, 50を使用した。

【図2】

検体処理においてCHAPS添加濃度による効果を検討した結果を示す図である。健常人血清（normal）およびHCV-RNA陽性パネル血清13, 50を使用した。

【図3】

検体処理において尿素添加濃度による効果を検討した結果を示す図である。健常人血清（normal）およびHCV-RNA陽性パネル血清13, 44, 50を使用した。

【図4】

検体処理におけるTritonX100添加温度による効果を検討した結果を示す図である。健常人血清（normal）およびHCV-RNA陽性パネル血清13, 44, 50を使用した。

【図5】

検体処理中の温度による効果を検討した結果を示す図である。健常人血清（normal）およびHCV-RNA陽性パネル血清13, 44, 50を使用した。

【図6】

標準血清のパネル血清を50を1U/mlとして段階的に希釈し、検体処理した試料を本発明のモノクローナル抗体を用いたサンドイッチ反応系の希釈検量線と検出感度を示す図である。

【図7】

標準血清のパネル血清50を1U/mlとして段階的に希釈し、検体処理した試料をサンドイッチイムノアッセイ反応系で測定したときの希釈検量線と検出感度を示す図である。基質に発光物質を用いている。

【図8】

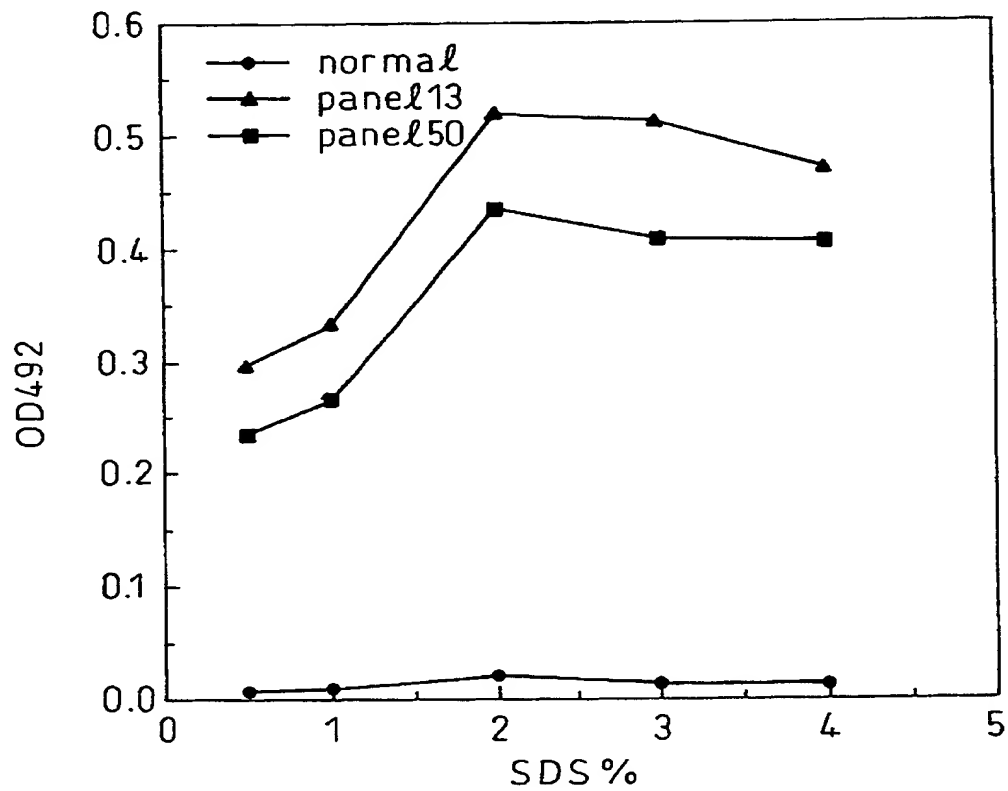
パネル血清13を、検体処理をおこなってから、ゲルロカラムを用いて分画し、その分画中のコア抗原免疫活性を測定したものである。分子量は、IgGは約150kD、アルブミンは約68kDである。

【図9】

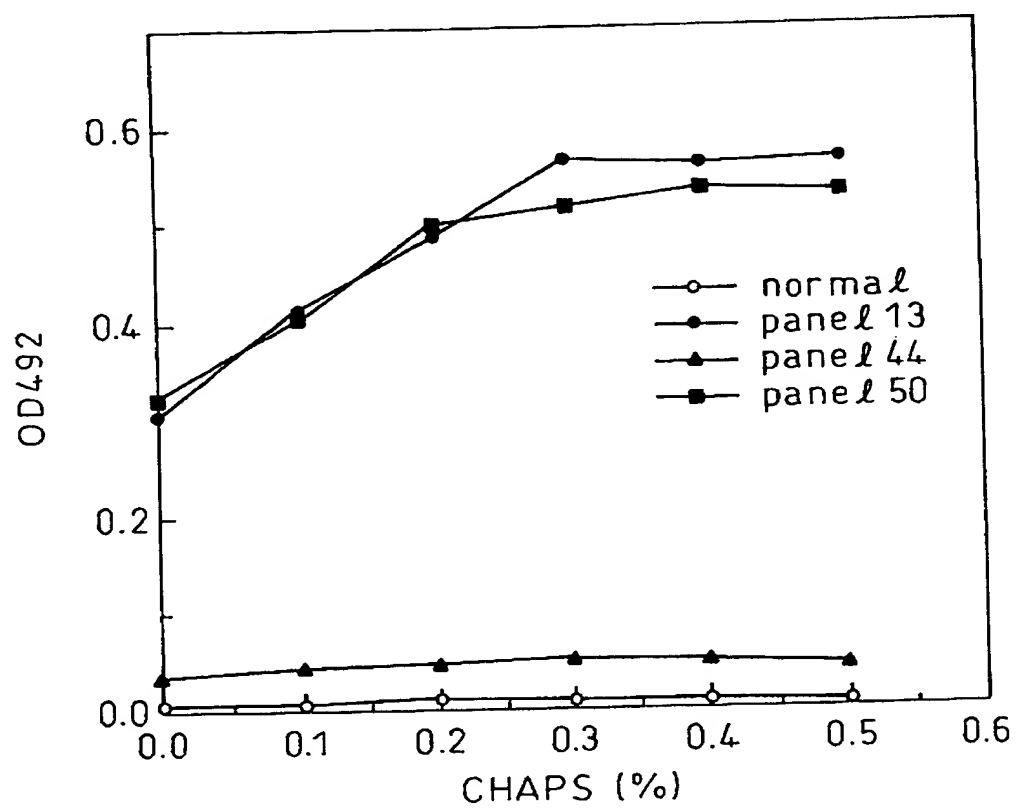
PCR陽性検体を、本発明の検体処理後その遊離したコア抗原活性を測定した値とアンプリコアHCVモニター（PCR法）で求めたHCV-RNA量との相関性を示す図である。

【書類名】 図面

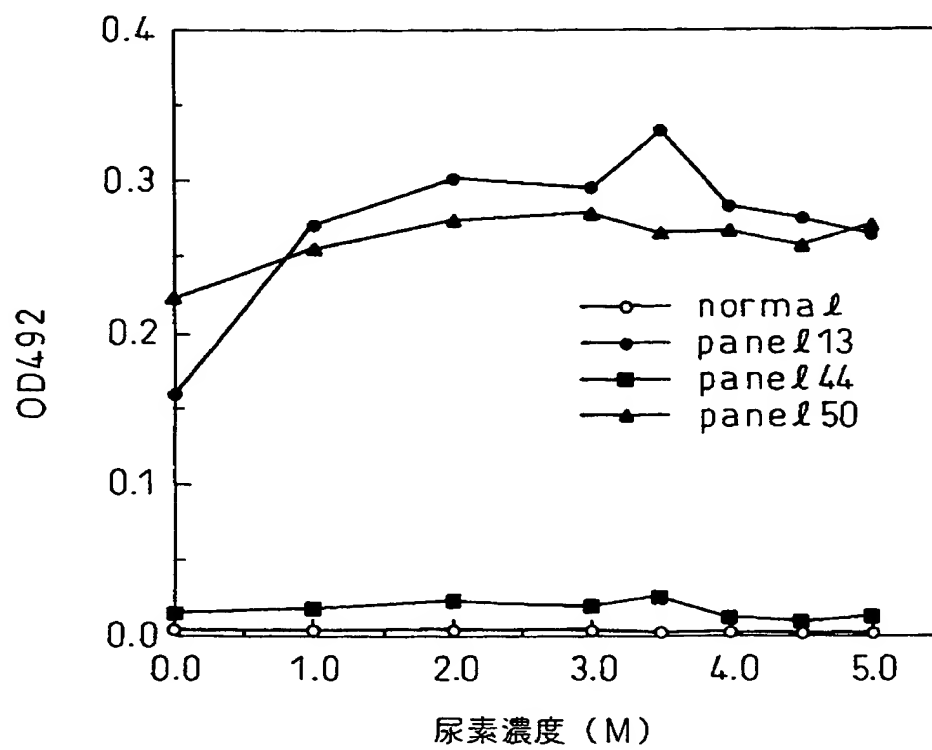
【図1】



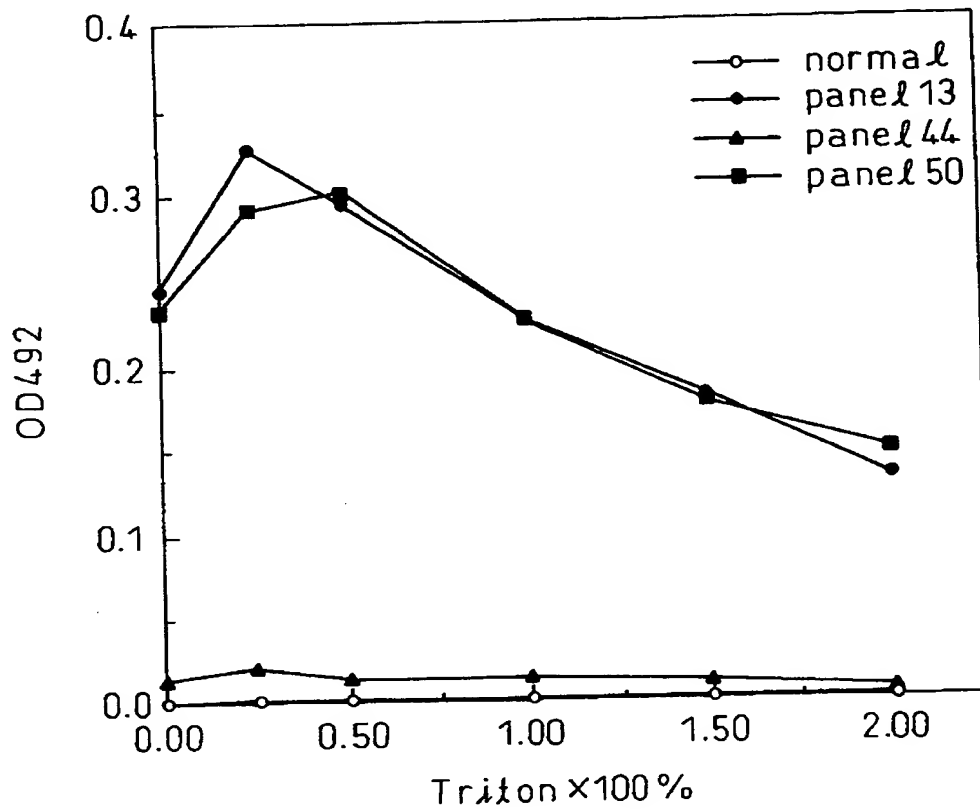
【図2】



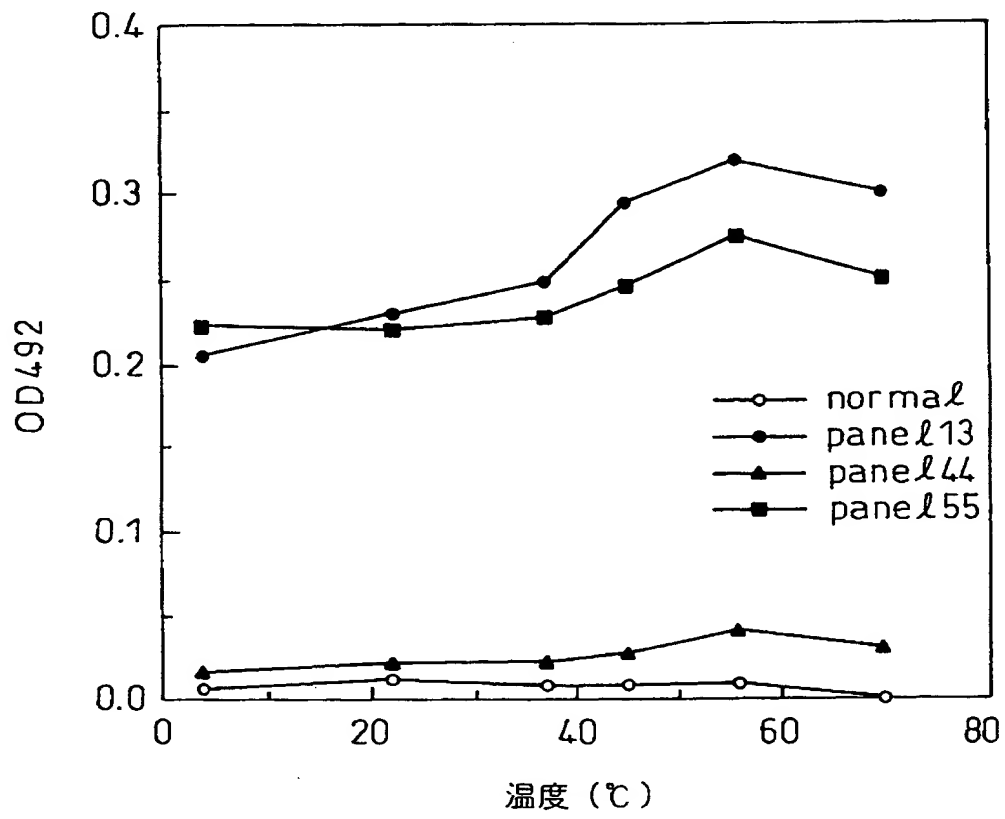
【図3】



【図4】

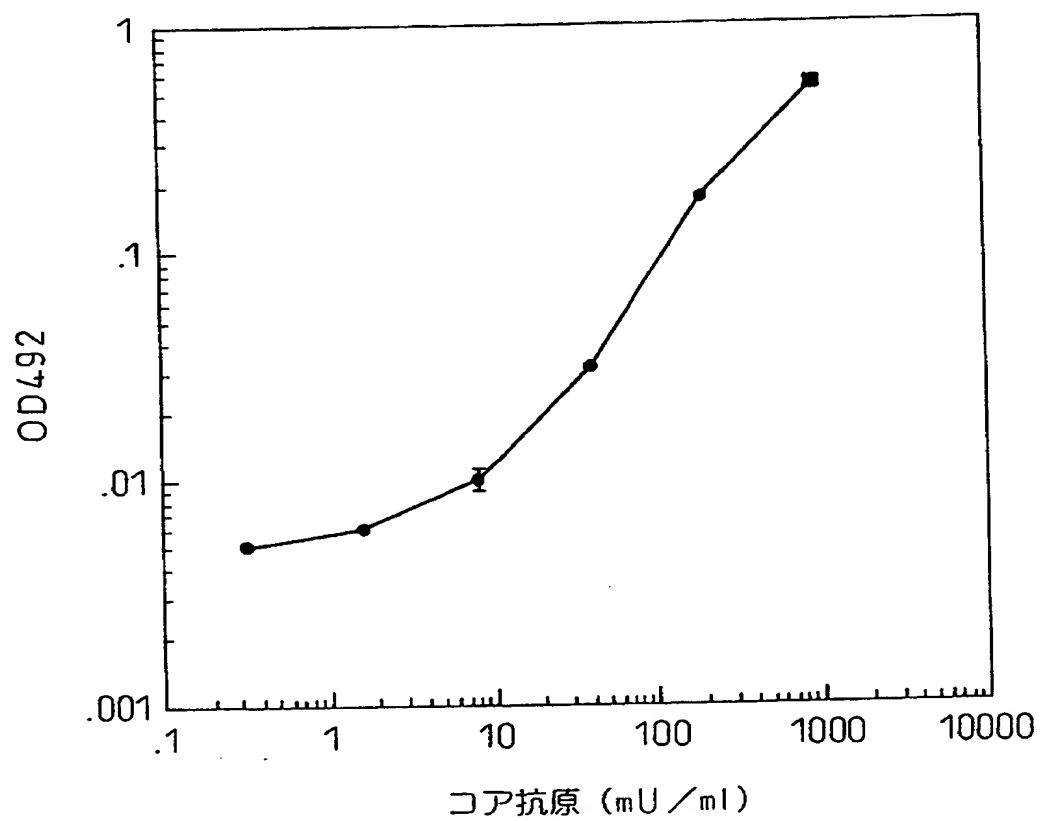


【図5】

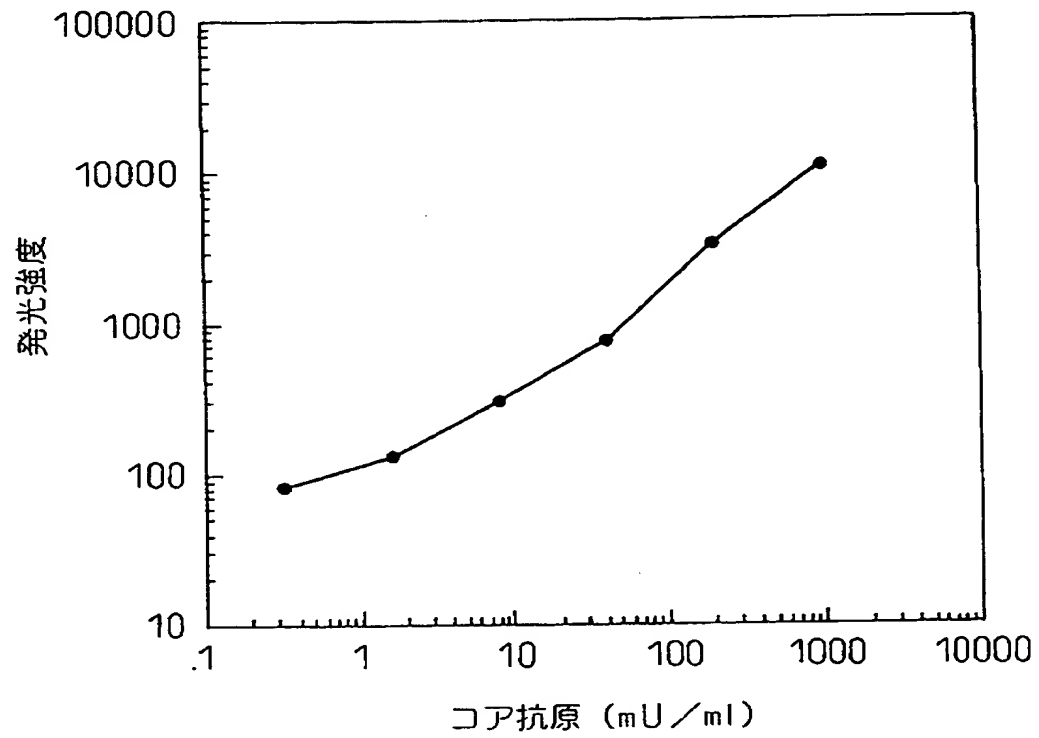




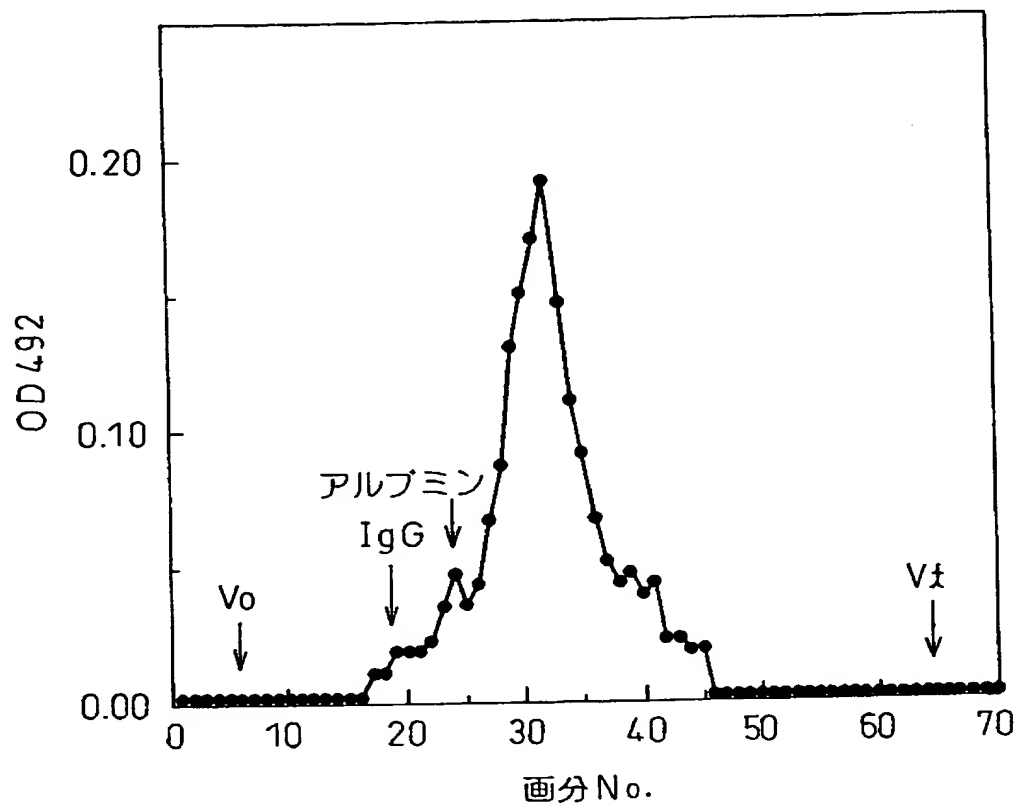
【図6】



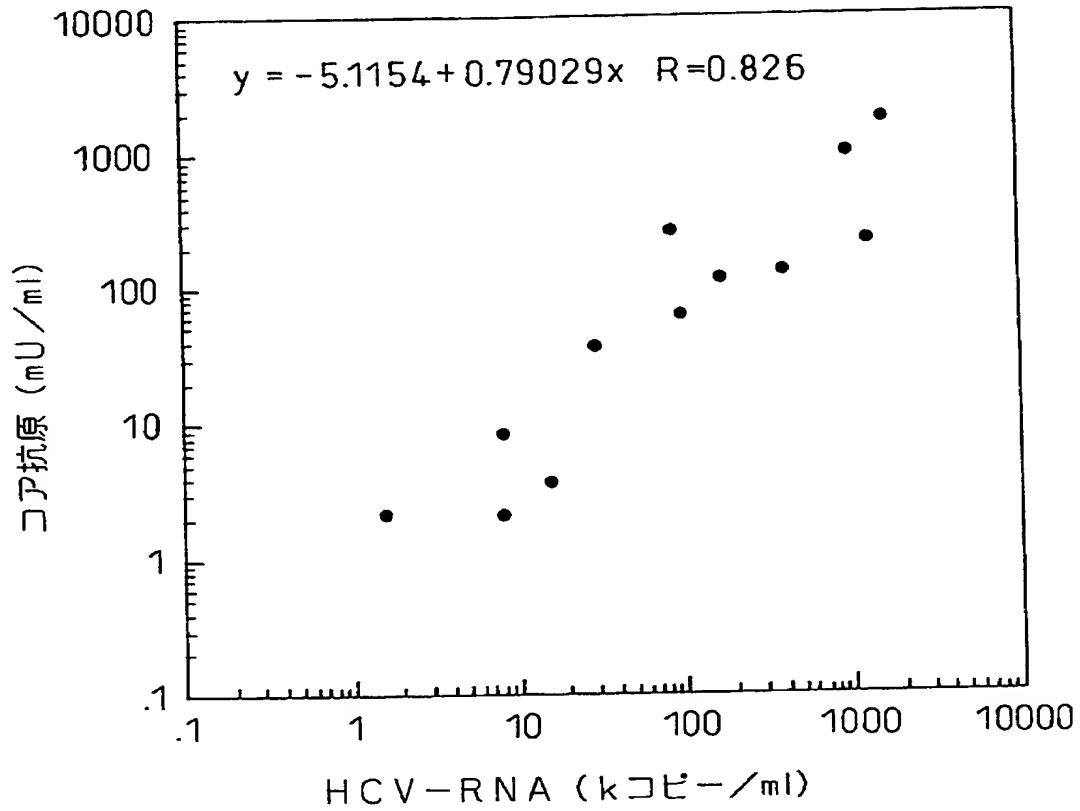
【図7】



【図8】



【図9】



【書類名】 要約書

【要約】

【課題】 HCVを簡便で高感度に検出または測定する方法の提供。

【解決手段】 HCV含む検体を、(1)陰イオン性界面活性剤、及び(2)両イオン性界面活性剤、非イオン性界面活性剤又は蛋白質変性剤のいずれかを含む処理液で処理することを特徴とするHCV含有検体の処理方法；並びにこの方法の実施のためのモノクローナル抗体及びそれを生産するハイブリドーマ。

【選択図】 図7

【書類名】 職権訂正データ  
【訂正書類】 特許願

<認定情報・付加情報>

【特許出願人】

【識別番号】 390022998  
【住所又は居所】 東京都渋谷区広尾一丁目1番39号 恵比寿プライムスクエアタワー

【氏名又は名称】 東燃株式会社

【代理人】 申請人

【識別番号】 100077517

【住所又は居所】 東京都港区虎ノ門三丁目5番1号 虎ノ門37森ビル 青和特許法律事務所

【氏名又は名称】 石田 敬

【選任した代理人】

【識別番号】 100087871

【住所又は居所】 東京都港区虎ノ門三丁目5番1号 虎ノ門37森ビル 青和特許法律事務所

【氏名又は名称】 福本 積

【選任した代理人】

【識別番号】 100088269

【住所又は居所】 東京都港区虎ノ門三丁目5番1号 虎ノ門37森ビル 青和特許法律事務所

【氏名又は名称】 戸田 利雄

【選任した代理人】

【識別番号】 100082898

【住所又は居所】 東京都港区虎ノ門三丁目5番1号 虎ノ門37森ビル 青和特許法律事務所

【氏名又は名称】 西山 雅也

【書類名】 手続補正書  
【整理番号】 P9-209522  
【提出日】 平成 9年 9月16日  
【あて先】 特許庁長官 荒井 寿光 殿  
【事件の表示】  
    【出願番号】 平成 9年特許願第209522号  
【補正をする者】  
    【事件との関係】 特許出願人  
    【識別番号】 390022998  
    【氏名又は名称】 東燃株式会社  
【代理人】  
    【識別番号】 100077517  
    【弁理士】  
    【氏名又は名称】 石田 敬  
    【電話番号】 03-5470-1900  
【手続補正 1】  
    【補正対象書類名】 特許願  
    【補正対象項目名】 提出物件の目録  
    【補正方法】 追加  
    【補正の内容】  
        【提出物件の目録】  
        【包括委任状番号】 9714669

【書類名】  
【訂正書類】

職権訂正データ  
手続補正書

<認定情報・付加情報>

【補正をする者】

【識別番号】

390022998

【住所又は居所】

東京都渋谷区広尾一丁目1番39号 恵比寿プライ  
ムスクエアタワー

【氏名又は名称】

東燃株式会社

【代理人】

申請人

【識別番号】

100077517

【住所又は居所】

東京都港区虎ノ門三丁目5番1号 虎ノ門37森ビ  
ル 青和特許法律事務所

【氏名又は名称】

石田 敬



【書類名】 手続補正書  
【整理番号】 P9-209522  
【提出日】 平成10年 3月10日  
【あて先】 特許庁長官 荒井 寿光 殿  
【事件の表示】  
    【出願番号】 平成 9年特許願第209522号  
【補正をする者】  
    【事件との関係】 特許出願人  
    【識別番号】 390022998  
    【氏名又は名称】 東燃株式会社  
【代理人】  
    【識別番号】 100077517  
    【弁理士】  
    【氏名又は名称】 石田 敬  
    【電話番号】 03-5470-1900  
【ブルーフの要否】 要  
【手続補正 1】  
    【補正対象書類名】 明細書  
    【補正対象項目名】 0058  
    【補正方法】 変更  
    【補正の内容】 1

【0058】

得られたハイブリドーマについて、常法の限界希釈法に従い、単一クローン化を行ない、得られたハイブリドーマをHC11-14, HC11-10、およびHC11-3、およびHC11-7と命名した。該4種類のハイブリドーマは、工業技術院生命工学工業技術研究所に平成9年7月4日付でそれぞれFERM BP-6006, FERM BP-6004, FERM BP-6002及びFERM BP-6003として寄託された。

【書類名】 職権訂正データ  
【訂正書類】 手続補正書

<認定情報・付加情報>

【補正をする者】

【識別番号】 390022998

【住所又は居所】 東京都渋谷区広尾一丁目1番39号 恵比寿プライムスクエアタワー

【氏名又は名称】 東燃株式会社

【代理人】 申請人

【識別番号】 100077517

【住所又は居所】 東京都港区虎ノ門三丁目5番1号 虎ノ門37森ビル 青和特許法律事務所

【氏名又は名称】 石田 敬

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号

[390022998]

1. 変更年月日

1997年 6月17日

[変更理由]

住所変更

住 所

東京都渋谷区広尾一丁目1番39号 恵比寿プライムスクエア  
タワー

氏 名

東燃株式会社